



NOM : **LESPINET**

Prénom : **Olivier**

Corps/grade : **PrCE1**

Section CNU : **65**

Laboratoire : **Institut de biologie intégrative de la cellule, (UMR 9198)**

Tutelles : CNRS, CEA, Université Paris-Saclay

Equipe : « Bioinformatique Moléculaire »

Principales responsabilités : Co-responsable du Master de Bioinformatique. Vice-président de l'université Paris-Saclay en charge des ressources humaines

Mots-clés recherche : Evolution des génomes - Bioinformatique des séquences et des réseaux biologiques - Métabolisme

Mots-clés enseignement : Bioinformatique - Biologie évolutive - Analyse des séquences - Analyse haut débit

Résumé de la recherche :

Mes projets se concentrent principalement sur l'étude des génomes et des réseaux biologiques. Dans ce cadre, mes travaux se sont concentrés sur la conception de méthodes pour améliorer la qualité des données (annotation des génomes) ainsi que sur l'adaptation et le développement de méthodes d'exploration de données adaptées à la génomique comparative évolutive et aux réseaux métaboliques.

Résumé des enseignements :

J'enseigne la bioinformatique des séquences (alignement de séquences, recherches dans les banques de données, RNAseq), la biologie évolutive (évolution des génomes, phylogénie) et la programmation (algorithmique et programmation dans les langages R, python et php) du L2 au M2 dans plusieurs formations (Licence de Biologie, CPES en Sciences des données, Master Biologie-Santé, Master de Bioinformatique).

Lien : <https://www.i2bc.paris-saclay.fr/equipe-molecular-bio-informatics/>